

## **Diversidad genética y morfológica de *Bactris gasipaes* y su distribución geográfica**

Gea Galluzzi<sup>1\*</sup>, Dominique Dufour<sup>2&3</sup>, Maarten Van Zonneveld<sup>1</sup>, Andrés Felipe Escobar Salamanca<sup>3</sup>, Andrés Giraldo<sup>3</sup>, Andrés Rivera<sup>3</sup>, Gerardo Gallego<sup>3</sup>, Xavier Scheldeman<sup>1</sup>, Alonso Gonzalez<sup>3</sup>

<sup>1</sup> *Bioversity International, Regional Office for the Americas, c/o CIAT, km 17 Recta Cali Palmira, Colombia.*

<sup>2</sup> *CIRAD, Centre de Coopération Internationale en Recherche Agronomique pour le Développement, UMR Qualisud, 34398 Montpellier, France.*

<sup>3</sup> *CIAT, Centro Internacional de Agricultura Tropical, km 17 Recta Cali Palmira, Colombia.*

El fruto de *Bactris gasipaes* (Kunth), localmente llamado chontaduro, pejibaye, pupunha, entre otros, ha sido un alimento básico de muchos pueblos pre-colombinos que ocupaban las tierras bajas del neotrópico húmedo. Como resultado de la domesticación y subsecuente difusión a lo largo de la cuenca amazónica, noroeste de la región andina y América Central, se ha producido en *Bactris* un complejo de poblaciones con alta diversidad genética. A pesar de que relativamente pocas comunidades todavía cultivan la especie y casi siempre a escala pequeña, su potencial nutricional y comercial está siendo redescubierto, exigiendo estudios básicos sobre nivel y distribución de diversidad genética y variabilidad en caracteres morfo-bioquímicos. Utilizando nueve marcadores moleculares (SSR), se analizó la diversidad genética en 87 accesiones de *Bactris gasipaes* representativas del área de distribución de la especie y mantenidas en colecciones *ex situ*. Todos los marcadores resultaron polimórficos, y el análisis de estructura genética destacó la presencia de dos grandes grupos geográficamente definidos, el Andino y el Amazónico, coincidiendo con estudios previos basados en caracteres morfológicos. Estos resultados confirman el alto nivel de diversidad genética y la probable hibridación que ocurrió repetidamente entre poblaciones a lo largo de la historia evolutiva y la domesticación de la especie. Se presentan también los primeros resultados de estudios de variabilidad en caracteres morfológicos del fruto y las relaciones con la diversidad genética. Estas evidencias preliminares, junto con estudios sobre caracteres bioquímicos se espera contribuirán al mejoramiento de caracteres claves para un mayor uso alimenticio de la especie en Latino América.